

# EPI GENES DNA-Testkit

## Der erste Schritt zur Entschlüsselung Ihrer DNA

### Wie funktioniert dieser Test?

Wir schicken Ihnen das DNA-Testkit zu, welches den Speichelbehälter mit Stabilisator beinhaltet. Sobald Sie den Test gemäß der Anweisungen in der beiliegenden Broschüre durchgeführt haben, schicken Sie uns das befüllte Teströhrchen zurück und registrieren sich mit den individuellen Codes in der Broschüre auf der Auswertungsseite.


**Wichtig:** Ohne diese Registrierung können wir Ihnen das Ergebnis nicht zuordnen! Sie erhalten dann eine E-Mail, sobald das Labor Ihren Test ausgewertet hat (im Regelfall nach ca. vier bis sechs Wochen) und Sie die Ergebnisse auf der Auswertungsseite abrufen können.

### Technologie

SNPs- (Single Nucleotide Polymorphisms – Einzelne Nukleotide Polimorphismen) Erkennungstechnologien werden verwendet, um Allele eines bekannten Polymorphismus einer Zielsequenz (SNP) zu bestimmen. Diese SNPs sind individuelle Nukleotidpositionen innerhalb des Genoms, die in der Bevölkerung polymorph variieren. In der Regel gibt es nur zwei Allele an einem SNP-Locus, zum Beispiel A oder T. Jedes Allel wird durch das tatsächliche Nukleotid der Sequenz definiert. Unsere besondere Aufmerksamkeit gilt dabei jenen genetischen Markern, deren DNA-Sequenz eine bekannte Lage im Chromosom aufweist und deren erbliche Eigenschaften und den daraus resultierenden genetischen Ursachen durch die aktuelle Studienlage gestützt wird. Wir testen ausschließlich genetische Marker, die auf wissenschaftlichen Studienergebnissen (Replikationsstudien) beruhen und die einen signifikanten Einfluss auf den Stoffwechsel des Menschen haben.



### Produktdaten

ART	Gentest
ARTIKELNUMMER	2300001
GTIN	4260633577027 
PPN	11 18043777 36
PZN AT	5699625
PZN DE	18043777
INHALT	Speichelbehälter mit Stabilisator
GEWICHT BRUTTO	103,5 g
GEWICHT NETTO	103,5 g
MASSE (B×H×T; CM)	181 × 122 × 34 mm
PRODUKTVERSION	1

### Whole Genome Sequencing (WGS)

Auch wenn wir in unseren Analysen ausschließlich genetische Marker integrieren, welche durch starke wissenschaftliche Ergebnisse untermauert sind, testen wir in Form des Next Generation Sequencing (NGS) das komplette Genom. Dieses Verfahren wird auch Low-Pass Whole Genome Sequencing bezeichnet (lpWGS), die aktuellste und genaueste Technologie, um das komplette Genom zu analysieren. Anstatt das Genom mehrere Male zu analysieren (Sequenz-Tiefe), ermöglicht es uns diese neueste Technologie die Sequenz-Tiefe zu optimieren. Bzgl. der Analyse von üblichen genetischen Varianten hat lpWGS die Technologie der typischen DNA-Mikroarrays in Sachen Datenmenge, statistischer Genauigkeit und verbesserter Fähigkeit genetische Varianten aufzufinden nachweislich überholt.

Unabhängig von der verwendeten Technologie müssen die Rohdaten weiter interpretiert werden, um dem Endverbraucher die Ergebnisse verständlich zu vermitteln. Die Interpretationen basieren auf unseren eigens entwickelten Algorithmen und Software, welche die Rohdaten basierend auf dem aktuellen Forschungsstand hin analysieren.

Die Analysen werden unter den höchsten Qualitätsstandards durchgeführt. Wir verwenden dabei Studienergebnisse mit hoher statistischer Reliabilität, welche mindestens auf Probandengruppen von 1000 beruhen und unabhängig in anderen Studien veröffentlicht wurden. Die Qualität der Tests wird durch unsere Experten aus der Biotechnologie, der Genetik, der Pharmazie, der Biochemie, der Medizin, den Ernährungswissenschaften und der Informationstechnologie garantiert.

### Gesetzliche Haftung

Der Zweck der Analyse ist es nicht, Diagnosen zu stellen, Krankheiten zu heilen, mildern oder vorzubeugen. Im Fall ernsthafter Gesundheitsprobleme, raten wir Ihnen vor jeder Ernährungsveränderung ab, wenn Sie zuvor nicht Ihren Arzt konsultieren. Ohne ärztliche Genehmigung sollten sie auf keinen Fall Ihre Medikamente oder irgendeine andere Gesundheitspflege ändern.